



**ATELIER**  
**Environnements et bonnes pratiques pour l'analyse bioinformatique.**  
**Tout savoir sur l'utilisation du cluster BiRD et des outils de reproductibilité**

## **PROGRAMME**

### **Objectifs**

- Savoir mettre en œuvre les principes de la science reproductible dans les projets d'analyse et de développement
- Connaître les commandes de base nécessaires pour une utilisation optimale du cluster

### **Contenu pédagogique**

- Introduction à la reproductibilité
- Bonnes pratiques sur l'historique et le partage du code : Git
- L'environnement Conda
- Présentation du cluster de calcul
- Introduction aux workflows avec snakemake

### **Prérequis**

- Avoir un compte sur le cluster BiRD (Pour les nouvelles demandes : <https://pf-bird.univ-nantes.fr/resources/birdcluster/register-for-a-new-account>)
- Connaître les principales commandes Linux

### **Durée**

- 1 jour

### **Date**

- 1 février 2022

### **Inscriptions**

- Inscription gratuite mais obligatoire

### **Moyens pédagogiques**

- Alternance d'exposés et de mise en pratique.

### **Intervenants**

- Ingénieurs bioinformaticiens de la Plateforme BiRD.

### **Validation**

- Attestation de présence remise à chaque participant à l'issue de l'atelier.